TEL:010-89941170 QQ:983086419 Web:www.wonstart.com BeiJing WonStart Biotech Co.,Ltd

# 多糖多酚植物基因组 DNA 提取试剂盒

Plant Genomic DNA Kit

(离心柱型)

目录号: SD11

### 产品内容

试剂盒组成	保存	SD11-1 10 次	SD11-2 50 次	SD11-3 100 次	
Buffer AP1 (裂解液)	室温	5 ml	25 ml	50 ml	
Buffer AP2 (杂质去除液)	室温	2 ml	10 ml	20ml	
Buffer AP3	室温	3 ml	15 ml	25 ml	
(结合液)	至皿				
Buffer WB	室温	3 ml	15 ml	25 ml	
		第一次使用前请加入 4 倍体积的无水乙醇			
Buffer TE	室温	3 ml	15 ml	20 ml	
DNA Columns & CollectionTubes	室温	10T	50T	50T×2	
RNA 酶(终浓度 10 mg/ml)	-20℃	50 ul	250 ul	500 ul	

## 储存条件

该试剂盒置于室温 (15-25  $\mathbb C$ ) 干燥条件下可保存 12 个月; 更长时间的保存可置于 2-8  $\mathbb C$ 。在 2-8  $\mathbb C$  保存条件下,若产生沉淀,使用前应先将试剂盒内的溶液在室温中放置一段时间,必要时可在 37  $\mathbb C$ 水 浴中预热 10 min,以溶解沉淀。避免试剂长时间暴露于空气中发生挥发、氧化、pH 值变化,各溶液使用后应及时盖紧盖子。

### 产品简介

本试剂盒采用 DNA 吸附柱和新型独特的溶液系统,适合于从含酚类、多糖类和酶抑制物的植物样品中快速简单地提取基因组 DNA。可在 30 分钟内完成一个或多个 100mg 新鲜或 20mg 干燥的植物样品 DNA 的纯化工作。提取过程不需要用到有毒的酚氯仿等有机物抽提,也不需要用到耗时的异丙醇

或乙醇沉淀,并能快速高效地去除多糖类、酚类和酶抑制物等杂质,纯化的 DNA 可直接用于 PCR、酶切和杂交等实验。

新鲜或干燥的植物组织(细胞)磨碎后经裂解液裂解;蛋白质、多糖、细胞残片被沉淀去除;然后基因组 DNA 在高离序盐状态下选择性吸附于离心柱内硅基质膜, 再通过一系列快速的漂洗一离心的步骤, 进一步将多糖,多酚和细胞代谢物, 蛋白等杂质去除, 最后低盐的洗脱缓冲液将纯净基因组 DNA 从硅基质膜上洗脱。

#### 产品特点

- 1.不需使用有毒的苯酚, 无需乙醇沉淀
- 2.操作便捷. 纯度高
- 3.数种去多糖、多酚成份和多次柱漂洗确保高纯度,OD260/OD280 典型的比值达  $1.7\sim1.9$ ,可直接用于 PCR,Southern-blot 和各种酶切反应。

### 注意事项<u>(请在使用本试剂盒前务必仔细阅读此项)</u>

- 1. 所有的离心步骤均在室温完成,使用转速可以达到 13,000 rpm 的传统台式离心机
- 2. 开始实验前将需要的水浴先预热到 65 ℃备用
- 3. 洗脱液 EB 不含有螯合剂 EDTA,不影响下游酶切、连接等反应。也可以使用水洗脱,但应该确保 pH 大于 7.5, pH 过低影响洗脱效率。
- 4. 不同来源的植物组织材料中提取 DNA 的量会有差异,一般 100mg 新鲜组织典型产量可达 3-25μg。

### 操作步骤

#### 使用前请先在 Buffer WB 及缓冲液 AP3 中加入指定量无水乙醇, 充分混匀并做上标记

- 1. 取适量植物组织(新鲜组织 100 mg 或干重组织 20 mg) 在研钵中加入液氮充分碾磨成细粉。
- 2. 转移细粉到一个 1.5ml 离心管,不要解冻,加入 400 μl 缓冲液 AP1 和 4 μl RNase A(10 mg/ml),旋涡振荡,充分混匀帮助裂解。

注意:如果组织裂解困难,可根据需要加一个轻柔匀浆 10 秒的步骤帮助裂解。大多数情况下不需要离心去除未完全裂解的组织,因为后面有一个离心去除的步骤。

- 3. 65 ℃水浴 20 分钟, 在水浴过程中颠倒离心管 2-3 次, 混合样品。
- 4. 加入  $130 \, \mu l$  缓冲液 AP2,充分混匀,冰上放置  $5 \, \text{分钟}$ ,  $12,000 \, \text{rpm}$  离心  $5-10 \, \text{分钟}$ ,小心吸取上清到一个新的  $1.5 \, \text{ml}$  离心管,注意不要吸到界面物质。
- 5. 计算上清量,加入 1.5 倍体积的 AP3 (**请先检查是否已加入无水乙醇!**),立即吹打混匀。

注意:加入 AP3 可能会出现絮状沉淀,但不影响 DNA 提取。注意将 AP3 直接加入到上清并立即吹打混匀。

- 6. 将上一步所得混合物 (包括可能出现的沉淀) 加入一个吸附柱中,(吸附柱放入收集管中) 13,000 rpm 离心 30-60 秒,倒掉收集管中的废液 (先加 650 μl 离心,弃废液,再加入剩余的溶液,再次离心)。
- 7. 加入 700 μl Buffer WB (**请先检查是否已加入无水乙醇!**), 12,000 rpm 离心 30 秒, 弃掉废液。
- 8. 加入 500 μl Buffer WB, 12,000 rpm 离心 30 秒, 弃掉废液。
- 9. 将吸附柱放回空收集管中,12,000 rpm 离心 2 分钟,尽量除去漂洗液,以免漂洗液中残留乙醇抑制下游反应。
- 10. 取出吸附柱,放入一个干净的离心管中,在**吸附膜的中间部位**加 100  $\mu$ l Buffer TE(洗脱液可事先在 65-70 $^{\circ}$ C水浴中预热), 室温放置 3-5 分钟,12,000 rpm 离心 1 分钟。将得到的溶液重新加入吸附柱中,室温放置 2 分钟,12,000 rpm 离心 1 分钟。

注意:洗脱体积越大,洗脱效率越高,如果预计和需要产量高,可增大洗脱体积,如果需要 DNA 浓度较高,可以适当减少洗脱体积,但是最小体积不应少于 50μl,体积过小降低 DNA 洗脱效率,减少 DNA 产量。

11. DNA 可以存放在 2-8  $\mathbb{C}$ ,如果要长时间存放,可以放置在-20  $\mathbb{C}$  。

### 问题与解决方法

问题	评论与建议		
DUL 호텔에	*处理材料过量或者裂解不完全-建议:使用适量的起始材料,充分研磨或者匀浆		
DNA 产量低	*结合条件不恰当-建议:步骤 5 精确估计上清量,加入 1.5 倍体积 AP3 量要准确		
RNA 残留	*植物 RNA 含量太丰富-建议:提高 RNase A 处理浓度		
未提取到 DNA	*漂洗液 WB 中忘记加无水乙醇-建议:第一次实验时,在漂洗液 WB 中加入指定量无水乙醇。		
离心柱堵塞	*研磨裂解不充分,团块多;裂解物太粘稠;离心力太小-建议:参见步骤 2,加一个离心步骤去除;减低起始材料量,不要处理过量,加大离心力		
洗脱下来的 DNA 溶液带颜色或者膜 上有明显的色素残留	*漂洗次数不够-建议:步骤8完成后,加500µl乙醇再漂洗一遍*起始材料太多过量-建议:减少起始处理材料,不要过量		

问题	评论与建议
A <sub>260</sub> 吸光值异常偏高	*一些硅基质膜成分一起洗脱下来,干扰了吸光值- <b>建议:</b> 将洗脱的基因组 DNA 溶液 13,000rpm 再离心一分钟,小心取上清使用。
DNA 下游酶切不能切开或者酶切	*一些硅基质膜成分一起洗脱下来,抑制了酶切反应- <b>建议:</b> 将洗脱的基因组 DNA 溶液 13,000rpm 再离心一分钟,小心取上清使用。
不完全	*离心柱残留有较多乙醇或者底部不慎沾有乙醇抑制了酶切反应- <b>建</b> <b>议:</b> 确保做了步骤 9,然后空气中晾几分钟,让残留乙醇挥发。